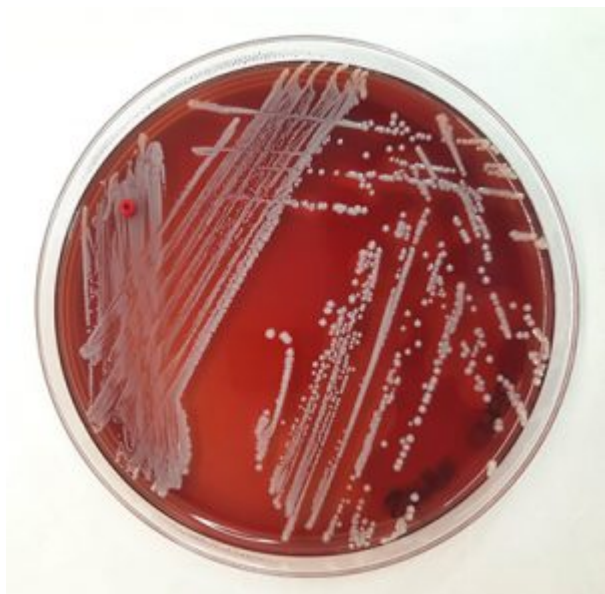


IZS Ve identifica una nuova specie di stafilococco proveniente dall'aria: *Staphylococcus caeli*



Il Laboratorio di batteriologia speciale della sezione di Treviso dell'Istituto Zooprofilattico Sperimentale delle Venezie (IZS Ve) ha identificato e dato il nome a una nuova specie di stafilococco.

Il genere stafilococco è costituito da diverse specie di batteri Gram positivi ampiamente diffusi in natura. Alcune di queste specie sono comuni abitanti della pelle e delle mucose sia di animali che dell'uomo, altre invece sono patogene. Tra le specie patogene più famose c'è sicuramente lo *Staphylococcus aureus* soprattutto a causa della comparsa di ceppi resistenti agli antibiotici ed in particolare alla meticillina.

Tali ceppi indicati con la sigla MRSA (Meticillin Resistant *S. aureus*) presentano resistenza agli antibiotici appartenenti alla famiglia delle penicilline e delle cefalosporine, e complicano quindi considerevolmente le possibilità terapeutiche e ne riducono le probabilità di successo. Questo tipo di resistenza è tipicamente conferita dal gene *mecA*; tale gene assieme alle sue varianti *mecB* e *mecC* sono stati isolati in varie specie di animali e nell'uomo.

L'isolamento di questo ceppo insolito e nominato inizialmente 82B è avvenuto durante le attività svolte per una ricerca finanziata dal Ministero della Salute (RC IZSVE 01/09 "Applicazione della PFGE, ricerca dei geni di virulenza e analisi del polimorfismo della proteina A in ceppi di *S. aureus* isolati da conigli da carne, con finalità epidemiologiche e diagnostiche") che ha portato al primo isolamento di un clone MRSA ST398 nei conigli da carne, e i cui risultati sono stati pubblicati su International Journal of Systematic and Evolutionary Microbiology).

In particolare l'82B è stato isolato nel 2013 da un campionamento dell'aria di un allevamento da reddito della provincia di Padova. Il ceppo è parso subito anomalo in quanto si presentava resistente alla meticillina, quindi un potenziale MRSA, ma non era possibile arrivare a un'affidabile identificazione di specie, sia mediante prove biochimiche e molecolari che mediante spettrometria di massa. Inoltre, le prove di biologia molecolare eseguite per la rilevazione dei geni noti causa della resistenza alla meticillina, ossia il gene *MecA* e le varianti *MecB* e *MecC*, davano anch'esse risultati non conformi ai controlli utilizzati.

[Leggi l'articolo integrale sul sito dell'IZS delle Venezie](#)