

Sequenziato il genoma del virus SARS-CoV-2 circolante in Veneto



Istituto Zooprofilattico
Sperimentale delle Venezie

L'Istituto Zooprofilattico Sperimentale della Venezie (IZS Ve) ha sequenziato l'intero genoma del virus SARS-CoV-2 responsabile di casi di COVID-19 in Veneto. Il sequenziamento è stato eseguito a partire da 13 tamponi naso/faringei inviati dall'Az. ULSS 9 di Verona, con

cui l'IZS Ve ha stretto un accordo di collaborazione scientifica. Le sequenze sono state depositate nel [database pubblico GISAID](#), rendendo così disponibili per la comunità scientifica le prime sequenze di SARS-CoV-2 dal Veneto.

[Continua a leggere](#)

Fonte: IZS Venezie